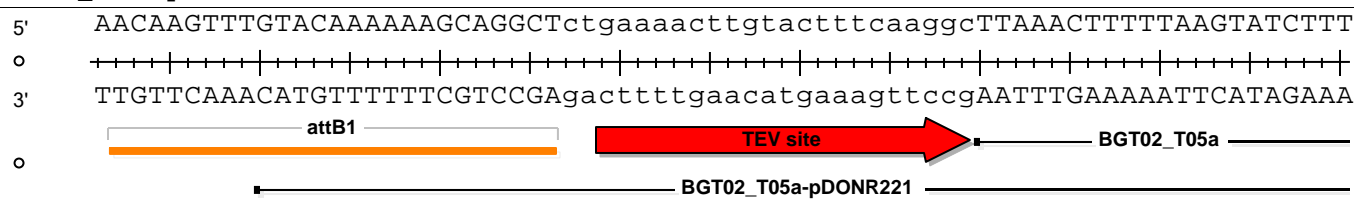


G	H	H	H	H	H	H	H	H	H	S	S	G	H	I	E	G	R	H	M	L	E	S	
2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	25

BGT02_T05a-pET16-DEST



T S L Y K K A G S E N L Y F Q G L N F L S I F
 26 27 28 29 30 31 32 33 34 35 36 37 38 39 40 41 42 43 44 45 46 47 48

5460

5' TTATTGACTTATGGTGTGCTTGCTATTTTCGCACATTGCATTCCAAATTATTCTATGTCATAGTGACCATA
 3' AATAACTGAATACCACACGAACGATAAAGCGTGTAACGTAAGGTTTAATAAGATACAGTATCACTGGTAT

5530

L L T Y G V L A I S H I A F Q I I L C H S D H
 49 50 51 52 53 54 55 56 57 58 59 60 61 62 63 64 65 66 67 68 69 70 71

5' GACGACAGAGCAAGAAATCATTTAAGGATTTCCATAGTAACTATCAGGCTAGTGTTTCAGTCATTGTGCC
 3' CTGCTGTCTCGTTCTTTAGTAAATTCCTAAAGGTATCATTGATAGTCCGATCACAAAGTCAGTAACACGG

5600

R R Q S K K S F K D F H S N Y Q A S V S V I V P
 72 73 74 75 76 77 78 79 80 81 82 83 84 85 86 87 88 89 90 91 92 93 94 95

CspCI'

CspCI

5' TGCATATAATGAAGAACCACAAATTTGAAGAATTGTATTGATTCTATTGTGGCACAAAAAGCACCTGAC
 3' ACGTATATACTTCTTGGTGTTTAAACTTCTTAACATAACTAAGATAACACCGTGTTTTTCGTGGACTG

5670

A Y N E E P Q I L K N C I D S I V A Q K A P D
 96 97 98 99 100 101 102 103 104 105 106 107 108 109 110 111 112 113 114 115 116 117 118

5' CTAGAGATTATTGTTGTAGATGACGGATCAAAAATCGTGAAGAATTGATTGAAAAAGTCTATAACACTT
 3' GATCTCTAATAACAACATCTACTGCCTAGTTTTTTAGCACTTCTTAACATAACTTTTTTCAGATATTGTGAA

5740

L E I I V V D D G S K N R E E L I E K V Y N T
 119 120 121 122 123 124 125 126 127 128 129 130 131 132 133 134 135 136 137 138 139 140 141

BGT02_T05a-pET16-DEST

Bsu36I

5' ATCAATCAAATCAAATGTTAAAATTTTATTGCCTGAGGAAAACAAAGGCAAACGTCCTGTCAAAAACT
 3' TAGTTAGTTTAGTTTACAAATTTAAAATAACGGACTCCTTTTGTTCCTGTTGCAGTGACAGTTTTTGA

5810

BGT02_T05a

BGT02_T05a-pDONR221

Y Q S N Q N V K I L L P E E N K G K R H C Q K L
 142 143 144 145 146 147 148 149 150 151 152 153 154 155 156 157 158 159 160 161 162 163 164 165

5' TGGATTTGATATTGCTAAGGGCGATATTATTGTCACAGTGGATTGAGATACCTTACTACATGATGAGAAT
 3' ACCTAAACTATAACGATTCCCGCTATAATAACAGTGTACCTAAGTCTATGGAATGATGTACTACTCTTA

5880

BGT02_T05a

BGT02_T05a-pDONR221

G F D I A K G D I I V T V D S D T L L H D E N
 166 167 168 169 170 171 172 173 174 175 176 177 178 179 180 181 182 183 184 185 186 187 188

PsiI

5' GCAGTTGAAAAATTAATTCAGCGTTTTGCTTATAAGAAGCTTGGGGCTGTCCTGTTGATGTTTCGAGTCG
 3' CGTCAACTTTTTAATTAAGTCGCAAACGAATATTCTTGCAACCCCGACAGTGACCACTACAAGCTCAGC

5950

BGT02_T05a

BGT02_T05a-pDONR221

A V E K L I Q R F A Y K N V G A V T G D V R V
 189 190 191 192 193 194 195 196 197 198 199 200 201 202 203 204 205 206 207 208 209 210 211

BmgBI

SnaBI

5' AAAACAAAATACGAATATCTTAACACGTCTGATTACGTATCGCTATTGGACTGCGTTTCACCAAGAGCG
 3' TTTTGTTTTTATGCTTATAGAATTGTGCAGACTAATGCATAGCGATAACCTGACGCAAAGTGTTTCTCGC

6020

BGT02_T05a

BGT02_T05a-pDONR221

E N K N T N I L T R L I T Y R Y W T A F H Q E R
 212 213 214 215 216 217 218 219 220 221 222 223 224 225 226 227 228 229 230 231 232 233 234 235

5' AGCAGCTCAAAGCCGCTTTCACGTTGTAATGTGTTGTTCTGGACCGTTTTTCAGCCTATCGTAAAGAAATA
 3' TCGTCGAGTTTTCGGCGAAAGTGCAACATTACACAACAAGACCTGGCAAAGTCGGATAGCATTTCTTTAT

6090

BGT02_T05a

BGT02_T05a-pDONR221

A A Q S R F H V V M C C S G P F S A Y R K E I
 236 237 238 239 240 241 242 243 244 245 246 247 248 249 250 251 252 253 254 255 256 257 258

